

Miks mõnedel koertel on "raudne" seedimine, kuid teistel esineb sageli kõhulahtisus?

Uuringud on näidanud, et "raudse" seedimisega koerte mikrobioota kooslus erineb oluliselt sageli kõhulahtisuse käes vaevlevate koerte omast. Kõhulahtisusega koerte mikrobioota muutustel on mitmeid põhjuseid. Soome teadlased on teinud märkimisväärseid avastusi "raudse" seedimisega koerte mikrobioota koosluse osas ja seeläbi leidnud lõpuks lahenduse kõhulahtisusega koertele ja nende omanikele.

"Raudse" ja tundliku seedimisega koerte soole mikrobioota erinevused

Soome teadlaste grupi uuringu tulemused näitavad, et terve ja tugeva seedesüsteemiga koertel domineerib soolestikus ainult üks *Lactobacillus* liik^{1,2} (joonisel roheline). Uuringusse kaasati koerad, kellel tekkis aeg-ajalt kõhulahtisus, näiteks sobimatu kraami söömisel (joonisel kollane) ja tundliku seedimisega koerad (joonisel punane), kellel esines peaaegu pidevalt kõhulahtisus.



Canius[®] PLUS sisaldab piimhappebaktereid, mis on isoleeritud Soomes elavatel tervetel ja tugeva seedesüsteemiga koertelt.



Leiti, et normaalse seedimisega koertel on lisaks piimhappebakteri *Lactobacillus* liikidele ka teisi mikroobe, samas kui tundliku seedimisega koerte soolestikust ei tuvastatud piimhappebaktereid. Selle tulemusena isoleeriti *Lactobacillus* tüved tervetelt ja tugeva seedimisega Soome koertelt. Pikaajalise uuringu ja arendamise tulemusena valmis toode Canius® PLUS.

Pideva kõhulahtisuse põhjused koertel

Koerte soole mikrobioota variatsiooni võimalikud põhjused:

- Loom on pärinud oma emalt puuduliku või tasakaalustamata mikrobioota.
- Mingil põhjusel on koer saanud antibakteriaalset ravimeid, mis on hävitanud ka head mikroobid.
- Koera soole mikrobioota sisaldab kahjulikke mikroobe, mis võivad olla omastatud halva kvaliteediga või saastunud toidust (toidumürgistus), mingil määral keskkonnast (nt saastunud joogivesi) või kokkupuutel teiste koerte või loomade roojaga.
- Koera toit ei toeta sooles heade mikroobide arengut.

Tavaliselt on põhjus kombinatsioon ülevalpool kirjeldatud põhjustest koos võimalike lisateguritega. Väga oluline on siinkohal teadvustada, et mikroobid levivad kergesti ka perekonnaliikmetele⁴ ja sageli on kõik perekonnaliikmed kahjuliku mikroobikandjad, ka ilma sümptomeid omata. Õigupoolest võivad ka tervist toetavad mikroobid kanduda teistele pereliikmetele, nt lemmikloomadelt inimestele⁵.

Parandusmeetmed - kuidas saavutada püsiva kõhulahtisuse asemel raudne seedimine?

Kui eesmärgiks on soole terve mikrobioota, siis on alati probleemide ennetamine efektiivsem ja parema tulemusega kui mikrobiaalse tasakaalu hilisem parandamine. Kirjeldatud lähenemist võiks rakendada tulevasele emakoerale, kelle soole mikrobiootat tuleks hinnata enne plaanitavat paaritust. Terve soolestik on alus normaalsele immuunvastusele ja seega ka tervislikumale elule. Valides terve emakoera, kellel on tugev seedesüsteem ja kel pole varasemas elus esinenud põletikulisi haigusi ega kasutatud põhjuseta antibiootikume, on tulemuseks mitmekesise ja liigispetsiifilise mikrobiootaga kutsikad.

Kui lemmik vajab antibakteriaalset ravi, siis võiks võimalusel eelistada lokaalset ravi. Pärast igat antibiootikumi kuuri on oluline kompenseerida bakteritüvede kadu tervist toetavate mikroobidega nagu seda on koera piimhappebakterid. See vähendab antibiootikum-resistentsete tüvede levikut.

Mitmekesine söötmine kajastub ka soole mikrobioota mitmekesisuses. Mida varieeruvam toit, seda rikkalikum on mikrobioota. Kui Teie koera soole mikrobioota on juba märkimisväärselt kahanenud ja tal esinevad märgatavad seedeprobleemi sümptomid, saab tema seedetrakti toetada koerte piimhappebakteritega Canius®.



Allikad: :

¹ Beasley et al. 2006. Lactic acid bacteria isolated from canine faeces. J Appl Microbiol 101: 131–138.

² Manninen et al. 2006. Alteration of the Canine Small-Intestinal Lactic Acid Bacterium Microbiota by Feeding of Potential Probiotics. Appl Environ Microbiol Vol. 72 (10): 6539–6543.

³ Guard et al. 2015. Characterization of Microbial Dysbiosis and Metabolomic Changes in Dogs with Acute Diarrhea. PLOS ONE | DOI:10.1371/journal.pone.0127259

⁴ Song et al. 2013. Cohabiting family members share microbiota with one another and with their dogs. ELife DOI: 10.7554/eLife.00458.001

⁵ Nermes et al. 2013. Perinatal Pet Exposure, Faecal Microbiota, and Wheezy Bronchitis: Is There a Connection? ISRN Allergy DOI: 10.1155/2013/827934

